

CURRICULUM VITAE

FORMATO EUROPE

INFORMAZIONI PERSONALI

Nome, Cognome	Luca Braglia
Indirizzo	Corso Vittorio Emanuele II 17, 26900 LODI
Nazionalità	IT
Luogo e data di nascita	Carpi (MO) il 10/12/1980

ESPERIENZA PROFESSIONALE

Data	27 Dicembre 2018 ad oggi
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CNR-IBBA Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria Via Edoardo Bassini 15, 20133 Milano
Funzione o posto occupato	Ricercatore III Livello
Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca incentrata sullo sviluppo di sistemi di indagine genetica per l'autenticazione e la certificazione di materie prime e prodotti nel settore agroalimentare. Responsabile scientifico per le piattaforme di analisi Feedcode and Foodcode sviluppate presso le strutture dell'Ente.
Data	01 Aprile 2018- 1 Dicembre 2018
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CREA- Centro di ricerca Zootecnia e Acquacoltura Viale Piacenza 29, 26900 Lodi
Funzione o posto occupato	Titolare di un assegno di collaborazione ad attività di ricerca
Principali mansioni e responsabilità	Attività di ricerca svolta all'interno dei progetti RGV-FAO e REMIX per il miglioramento genetico di colture proteiche da granella quali lupino, favino e pisello. Disegno e realizzazione di piani sperimentali di incrocio e selezione, raccolta ed analisi statistica del dato. Analisi di parametri biochimici per la caratterizzazione delle granelle e analisi genetiche con tecniche di GBS (genotyping by sequencing).
Data	01 Agosto 2013- 31 Marzo 2018
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CNR-IBBA Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria Via Edoardo Bassini 15, 20133 Milano
Funzione o posto occupato	Ricercatore TD III Livello
Principali mansioni e responsabilità	Titolare e referente scientifico di un contratto per esecuzione analisi per l'identificazione di polimorfismi di sequenza ascrivibili a <i>Citrus × myrtifolia</i> ecotipo Savona, o Chinotto di Savona, mediante l'utilizzo della metodica TBP, presso le strutture di IBBA-CNR, stipulato con CERSAA Centro Di Sperimentazione Ed Assistenza Agricola, all'interno del progetto Interreg Italia/Francia marittimo 2014-2020 "Mare di Agrumi". Titolare e referente scientifico di un contratto di esecuzione analisi per la tipizzazione genetica di nocciolo (<i>Corylus avellana</i> L.) varietà Tonga Gentile delle Langhe da impianto stolonifero, presso le strutture di IBBA-CNR, stipulato con SEGEA srl. Titolare e referente scientifico di un contratto di esecuzione analisi per l'identificazione e caratterizzazione genetica di varietà di Nocciolo (<i>Corylus avellana</i> L.) provenienti da moltiplicazione in vitro, presso le strutture di IBBA-CNR, stipulato con SEGEA srl. Titolare e referente scientifico di un contratto di esecuzione analisi semi- quantitative per la rintracciabilità di riso (<i>Oryza sativa</i>) in campioni di mangime, presso le strutture di IBBA-CNR, stipulato con Nutri1 srl. Titolare e referente scientifico di un contratto di esecuzione analisi fingerprinting varietale di una collezione di Citrus, presso le strutture di IBBA-CNR, stipulato con CERSAA Centro Di Sperimentazione Ed Assistenza Agricola. Titolare di un incarico di Ricercatore a TD all'interno 7° Programma Quadro mediante il progetto Europeo "Feedcode- Animal feed certification instrument and procedure to guarantee the quality of meat and dairy products through automatic, simple and rapid DNA barcode method based on tubulin-based polymorphism (TBP)" Progetto che ha coinvolto diversi Partners europei con l'obiettivo di sviluppare e introdurre nuove metodologie di analisi genetica per il controllo e la tracciabilità dei mangimi destinati all'alimentazione animale nelle filiere di produzione di carne, latte e prodotti caseari. Attività e responsabilità: coordinamento e definizione delle procedure atte allo sviluppo di una

piattaforma di analisi qualitativa e quantitativa per provvedere su scala europea, mediante analisi di certificazione e tracciabilità genetica delle componenti vegetali, un efficace strumento di tutela dei mangimi. Sviluppo di una "pipeline" automatizzata per l'analisi di frammenti genici mediante Elettroforesi Capillare in grado di provvedere l'identificazione qualitativa delle componenti vegetale dei mangimi. Disegno e messa a punto di saggi quantitativi in Digital e Real-Time PCR per diverse specie vegetali. Il progetto ha previsto una lunga fase di studio ed interlocuzione con i diversi "Partners" europei afferenti al progetto, affidata alla mia diretta responsabilità ed una costante opera di stesura dei "Project Deliverables" così come richiesto da parte della Research European Agency.

Data	01 Dicembre 2011- 31 Luglio 2013
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CNR-IBBA Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria. Via Edoardo Bassini 15, 20133 Milano
Funzione o posto occupato	Titolare di un assegno di collaborazione ad attività di ricerca
Principali mansioni e responsabilità	L'attività di ricerca è stata svolta all'interno del progetto VeLiCa (http://www.velica.org), da antiche colture materiali e prodotti per il futuro, che ha visto la partecipazione di Regione Lombardia. Tale progetto ha avuto la finalità di valutare l'impiego di marcatori molecolari quali SSR e TBP per la caratterizzazione di diverse varietà di canapa e lino e la loro associazione a caratteri di interesse agronomico e tecnologico. Lo scopo della ricerca è stato quello di provvedere validi strumenti per la valorizzazione di queste tradizionali colture, favorendo una loro reintroduzione sul territorio italiano ed in particolare in Lombardia. Attività e responsabilità: caratterizzazione della variabilità intra e intervarietale mediante fingerprinting molecolare (TBP) operato attraverso approccio bulk a single seeds. Sono stati identificati marcatori molecolari (SSR) specifici e segreganti singole varietà per caratteri legati alla produzione di olio e/o fibra, da impiegare nei piani di incrocio
Data	15 Gennaio 2009- 30 Novembre 2011
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CNR-IBBA Istituto di Biologia e Biotecnologia Agraria. Via Edoardo Bassini 15, 20133 Milano
Funzione o posto occupato	Titolare di un assegno di collaborazione ad attività di ricerca
Principali mansioni e responsabilità	L'attività di ricerca è stata svolta all'interno dell'accordo Quadro stipulato tra CNR e Regione Lombardia - Progetto "Mind in Italy" atto alla selezione di giovani ricercatori e tecnologi. Tale progetto si è proposto di sviluppare tecniche di diagnostica molecolare applicate alle piante e al sistema agro-alimentare, contribuendo alla definizione di metodi di vigilanza genetica per la caratterizzazione dei prodotti nel settore, per la tracciabilità e per la tutela della qualità del cibo. Attività e responsabilità: messa a punto di metodiche molecolari innovative in grado di individuare polimorfismi genici di singoli nucleotidi e/o di lunghezza per l'identificazione di specie, varietà ed ecotipi vegetali. Grazie agli studi condotti sull'organizzazione genomica dei geni delle beta-tubuline vegetali (TBP) sono state sviluppate efficaci tecniche diagnostiche su diverse specie di interesse agrario (riso, pomodoro e fagiolo) o deputate alla produzione di biocarburanti come <i>Camelina sativa</i> e <i>Jatropha curcas</i> . Diverse applicazioni sono state sviluppate nell'ambito della diagnostica in campo agro-alimentare; in particolare per quanto concerne il controllo di miscele mangimistiche e fieni provenienti da areali di pascolo assoggettati a produzioni lattiero-casearie DOP e IGP (Consorzio formaggio Parmigiano Reggiano, Consorzio formaggio Bitto).
Data	16 Gennaio 2006- 14 Gennaio. 2009
Nome e indirizzo del datore di lavoro	CREA - Unità di ricerca per la Floricoltura e le Specie Ornamentali in Sanremo Corso Inglesi 508, 18038 Sanremo (IM)
Funzione o posto occupato	Titolare di un incarico di collaborazione coordinata a progetto
Principali mansioni e responsabilità	L'incarico affidato, di natura scientifico-specialistico, è stato svolto nell'ambito della ricerca inerente ai progetti PROFLOMER, ALCOTRA, VIVAFLOR e ReVFLOR del Ministero delle Politiche Agricole Alimentari e Forestali. Nello specifico le competenze acquisite sono: estrazioni di acidi nucleici (DNA e RNA) da cellule vegetali utilizzando kit commerciali e metodiche tradizionali; filogenesi intervarietale e interspecifica mediante marcatori molecolari (AFLP, SSR, ITS); elaborazione statistica dei dati tramite software (NTSYS e TREECON), calcolo della similarità genetica e clustering. Gene cloning: clonaggio ed isolamento di geni orologi; amplificazione di sequenze fiancheggianti mediante approcci RAGE/Nla e inverted PCR. Citogenetica: applicazione di differenti protocolli per il counting cromosomico su specie e varietà; quantificazione del DNA mediante citofotometria a scansione. Breeding tradizionale mediante incroci manuali. Tecniche di rigenerazione e propagazione in vitro applicate a diverse specie vegetali di interesse ornamentale: preparazione dei mezzi di coltura, sterilizzazione di espianti da vivo, moltiplicazione, radicazione e ambientamento. Allestimento e definizione dei protocolli più idonei alle diverse fasi di induzione a callo indifferenziato, sospensioni cellulari, organogenesi e/o embriogenesi somatica. Valutazione e induzione di variabilità somaclonale in

vitro.

Data	Agosto 2006 – Novembre 2006
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Royal Veterinary and Agricultural University Department of Plant and Environmental Sciences, Faculty of Science, University of Copenhagen, Danimarca.
Funzione o posto occupato	Progetto interscambio
Principali mansioni e responsabilità	Periodo di lavoro-studio che mi ha dato l'opportunità di entrare a contatto con un gruppo di ricerca di rilevanza internazionale prendendo parte a un progetto di studio e valorizzazione di specie di Hibiscus rosa-sinensis per fini commerciali. Referente di ricerca Sridevy Sriskandarajah Associate Professor
Data	Settembre 2004 - Luglio 2005
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Laboratorio di Fisiologia, Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroambientali Alma Mater Studiorum Università di Bologna
Funzione o posto occupato	Tesista di Laurea Specialistica
Principali mansioni e responsabilità	Lavoro di tesi svolto in collaborazione con Syngenta Italia. Scopo del lavoro: valutare le cause, di natura fisiologica e molecolare, connesse con la resistenza opposta ai trattamenti con erbicidi (Glyphosate) da parte di specie infestanti. Le analisi condotte mi hanno consentito di acquisire conoscenze e familiarità con metodiche di: estrazione di RNA, retrotrascrizione in cDNA, amplificazione mediante PCR; valutazione dell'espressione genica mediante analisi Differential Display e Multiplex Titration RT-PCR e Real-time PCR. Inoltre, sul piano agronomico, i rilievi condotti sul campo mi hanno consentito di ampliare le mie conoscenze nell'ambito della gestione delle specie infestanti, particolare con le problematiche correlate al loro contenimento. Gruppo di ricerca coordinato dal Professor Giovanni Dinelli.
Data	Maggio 2003- Settembre 2004
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Consorzio Fitosanitario di Reggio Emilia - Comune di Scandiano (Reggio Emilia)
Funzione o posto occupato	Titolare di un incarico di collaborazione coordinata a progetto
Principali mansioni e responsabilità	Censitore del verde pubblico. Questa esperienza mi ha permesso di acquisire una buona conoscenza e capacità di riconoscimento delle principali specie vegetali comunemente impiegate nell'arredo urbano della provincia di Reggio Emilia. Inoltre, grazie alla partecipazione del Consorzio Fitosanitario Provinciale di Reggio Emilia ho avuto l'opportunità di condurre un'attenta analisi dello stato fitosanitario delle essenze censite, valutandole in un contesto di pubblica fruizione.
Data	Dicembre 2002 - Giugno 2003
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Sezione di Miglioramento Genetico CREA - Unità di ricerca per la Floricoltura e le Specie Ornamentali in Sanremo. Corso Inglesi 508, 18038 Sanremo (IM)
Funzione o posto occupato	Tesista di Laurea Magistrale
Principali mansioni e responsabilità	Conoscenze acquisite: dimestichezza con le principali tecniche di biologia molecole quali estrazione di DNA, elettroforesi, digestione con enzimi di restrizione, marcatura di sonde con metodiche non radioattive; Southern Blotting e PCR (Polymerase Chain Reaction) per l'analisi di piante transgeniche, PCR-RAPD e marcatori AFLP per la caratterizzazione genotipica di piante ornamentali. Crescita e mantenimento dei ceppi batterici, clonaggio di geni all'interno di diversi vettori plasmidici, preparazione di cellule competenti per la trasformazione, infezione di materiale vegetale mediata da Agrobacterium. Dimestichezza con le principali tecniche di micropropagazione e di coltura "in vitro": preparazione dei mezzi di coltura, sterilizzazione degli espianti, moltiplicazione e radicazione, embriogenesi somatica e colture cellulari. Gruppo di ricerca coordinato dal Dott. Tito Schiva.
ISTRUZIONE E FORMAZIONE	
Data	2010
Nome e tipo d'istituto di istruzione o formazione	Dottore di Ricerca in Tecnologie e Biotecnologie Agrarie. Scuola di Dottorato in Scienze, Tecnologie e Biotecnologie Agro-Alimentari dell'Università di Modena e Reggio Emilia in collaborazione con il CREA - Unità di Ricerca per la Floricoltura e le Specie Ornamentali in Sanremo Progetto di ricerca dal titolo "Miglioramento genetico di Hibiscus rosa-sinensis.
Data	2005
Nome e tipo d'istituto di istruzione o formazione	Laurea Specialistica in Biotecnologie vegetali. Università di Modena e Reggio Emilia. Votazione finale 110/110 e lode.
Data	1999
Nome e tipo d'istituto di istruzione o	Diploma di Perito Agrario.

formazione Istituto Tecnico Agrario Statale, "A. Zanelli" (Reggio Emilia).
Votazione finale 96/100

ULTERIORI INFORMAZIONI

Collaborazioni alla didattica

Università degli Studi Milano Bicocca, Industrial Biotechnology PhD meeting. Lecture: Molecular marker and their use for plant phylogenies, classification and certification. Verbania Pallanza, Ottobre 21-23, 2012.

Organizzazione e partecipazione all'iniziativa "Meetmetonight- la notte dei ricercatori" attraverso l'allestimento di un laboratorio per ragazzi "TiBiP alla ricerca del codice nascosto", Milano il 28 Settembre 2012.

CusMiBio, Centro Università degli Studi di Milano - Scuola per la diffusione delle Bioscienze, Documento di collaborazione finalizzata ad attività integrative della didattica all'interno del progetto "Sperimenta il Biolab". Milano Luglio 2013.

Organizzazione e partecipazione all'evento internazionale: Fascination of Plants Day 2013 presso le struttura del CNR-IBBA sezione Milano. Milano 17-18 maggio 2013. N. 0000981 del 29/05/2013.

Dimostrazione pratica presso il "Salone internazionale della ricerca, innovazione e sicurezza alimentare", in collaborazione con la Società Umanitaria di Milano, 15/10/2013.

Lecture: Il marcatore molecolare TBP struttura e applicazione. Seminario formativo svolto nell'ambito del progetto RGV-FAO presso CREA-FSO di Sanremo. Prot. N. 0043937 del 18/10/2013.

Organizzazione e partecipazione all'evento internazionale: Fascination of Plants Day 2015 presso le struttura del CNR-IBBA sezione Milano. Milano 22-23 maggio 2015. N. 0001042 del 15/06/2015.

Liceo Scientifico Bottoni, Progetto alternanza scuola lavoro 2016. MiUR D.G. per l'istruzione e formazione tecnica superiore e per i rapporti con i sistemi formativi delle Regioni. Maggio 2016. Prot. 0000690 del 09/05/2016.

Organizzazione e partecipazione all'evento internazionale: Fascination of Plants Day 2017 presso le struttura del CNR-IBBA sezione Milano. Milano 19-20 maggio 2017. N. 0001158 del 30/05/2017.

Lecture: DNA barcoding, il codice genetico delle piante, conferenza pubblica con seminario formativo indirizzato agli studenti coinvolti nel progetto "Laboratori Avanzati" del Liceo Scientifico Virgilio, 26/05/2017.

Liceo Scientifico Donatelli-Pascal, Progetto alternanza scuola lavoro 2017. MiUR D.G. per l'istruzione e formazione tecnica superiore e per i rapporti con i sistemi formativi delle Regioni. Giugno 2017. Prot. 2017/0000649 del 15/03/2017.

Organizzazione e partecipazione all'evento internazionale: Fascination of Plants Day 2019 presso le struttura del CNR-IBBA sezione Milano. Milano 16 maggio 2019. N. p1010 del 17/05/2019.

Lecture, dal titolo "Le meraviglie delle passiflore" in occasione dell'evento internazionale: Fascination of Plants Day 2019, presso il Museo del Fiore della città di Sanremo. Sanremo (IM) 18 maggio 2019.

Referee per riviste internazionali

Scientia Horticulturae (2013-2015)

Plant Genetic Resources, Characterization & Utilization (2010-2011-2013-2015)

PLOSOne (2015-2016-2017-2018)

Plants (2018-2019)

Genes (2017-2019)

Journal of Molecular Sciences (2017-2019)

Frontiers in Plant Science (2019)

Idoneità a pubblici concorsi

Concorso pubblico per titoli ed esami, per la copertura di un posto di Categoria C, area tecnica, tecnico scientifica ed elaborazione dati, con competenze in ambito di Patologia Vegetale, presso il Dipartimento di Scienze e Tecnologie Agroambientali dell'Università di Bologna. Classificato secondo in graduatoria. Prot. N. 30624 del 19.05.2005

-Concorso pubblico nazionale per titoli ed esami per la copertura di un posto di Ricercatore III livello a tempo indeterminato in regime di part-time al 65% per CREA- Consiglio per la Ricerca in Agricoltura e l'Analisi dell'Economia Agraria, Graduatoria codice 05-R-OF-FSO con pubblicazione su GURI N. 102 del 27/12/2016.

Pubblicazioni

1- Bruna S., Mercuri A., Cervelli C., BRAGLIA L., De Benedetti L., Schiva T. Caratterizzazione genetica di popolazioni di *Myrtus communis* L. mediante marcatori AFLP. *Italus Hortus*, 11(4): 332-335, 2004 (ISSN 1127-3496).

2- Mercuri A., Bruna S., BRAGLIA L., De Benedetti L., Bianchini C., Schiva T. *Hibiscus rosa-*

- sinensis L. (Ibisco ornamentale): una risorsa da valorizzare. *Flortecnica* 9, 10-23, 2007.
- 3- Pipino L., BRAGLIA L., Giovannini A., Fascella G. and Mercuri A. In vitro regeneration of *Passiflora* species with ornamental value. *Propagation of Ornamental Plants* Vol. 8, 1: 47-49, 2008.
- 4- Bruna S., Portis E., BRAGLIA L., De Benedetti L., Comino C., Acquadro A. and Mercuri A. Isolation and characterization of microsatellite markers from *Hibiscus rosa-sinensis* (Malvaceae) and cross-species amplifications. *Conservation Genetics*, 10: 771–774, 2009.
- 5- Pipino L., BRAGLIA L., Giovannini A., Fascella G., and Mercuri A. In Vitro Regeneration and Multiplication of *Passiflora* Hybrid “Guglielmo Betto”. *Protocols for In Vitro Propagation of Ornamental Plants, Methods in Molecular Biology*, vol. 589: 153-162, 2009.
- 6- BRAGLIA L., Bruna S., Lanteri S., Mercuri A., Portis E. An AFLP-based assessment of the genetic diversity within *Hibiscus rosa-sinensis* and its place within the *Hibiscus* genus complex. *Scientia Horticulturae*. 123: 372–378, 2010.
- 7- BRAGLIA L., Manca A., Mastromauro F. and Breviario D. cTBP: a successful Intron Length Polymorphism (ILP)-based genotyping method targeted to well defined experimental needs. *Diversity*, 2(4), 572-585, 2010.
- 8- Galasso I., Manca A., BRAGLIA L., Martinelli T., Morello L., Breviario D. h-TBP: an approach based on intron-length polymorphism for the rapid isolation and characterization of the multiple members of the β -tubulin gene family in *Camelina sativa* (L.) Crantz. *Mol Breeding*, 28: 635–645, 2011.
- 9- BRAGLIA L., Casabianca V., De Benedetti L., Pecchioni N., Mercuri A., Cervelli C., Ruffoni B. AFLP Markers for DNA fingerprinting in the genus *Salvia*. *Plant Biosystems*. 145, (2), 274-277, 2011.
- 10- Giani S., Casazza A.P., BRAGLIA L., Gavazzi F., Breviario D. Feed to Milk: new tools for the identification of plant species. In *Animal Feed: types, nutrition and safety*. Hauppauge NY Nova Science Publishers. Inc. pp. 219-238. (ISBN 978-1-61209-346-8), 2011.
- 11- BRAGLIA L., Gavazzi F., Giovannini A., Nicoletti F., De Benedetti L. and Diego Breviario. TBP-assisted species and hybrid identification in the genus *Passiflora*. *Mol Breeding*, 33:209–219, 2014.
- 12- Gavazzi F and BRAGLIA L. FEED-CODE: una piattaforma biotecnologica per la tracciabilità e rintracciabilità delle materie prime nei mangimi. *La Chimica e l'industria. LAB, Il mondo del Laboratorio*. Anno XVII, n°1 Gennaio/Febrero, 2014.
- 13- BRAGLIA L., Nicoletti F., De Benedetti L., Pecchioni N. and Antonio Mercuri. Isolation of a sequence homolog to More Axillary Branches MAX2 gene in *Hibiscus rosa-sinensis* and its use as genetic marker. *Research in Agriculture and Agronomy*. DOI 10.5171/2015.360263, 2015.
- 14- Galasso I., Manca A., Braglia L., Ponzoni E. and Breviario, D. Genomic Fingerprinting of *Camelina* Species Using cTBP as Molecular Marker. *American Journal of Plant Sciences*, 6, 1184-1200. doi: 10.4236/ajps.2015.68122. 2015.
- 15- Mapelli S., Breviario D., Galasso I., Giani S., BRAGLIA L., Pecchia P., Gogoi A., Mudoi K. and Saikia S. Comparative studies for selection of *Jatropha curcas* L. capable of high yield and oil quality in Assam environment. *Current Science*. 109 (3) 552-556, 2015.
- 16- Calevo J., Giovannini A., De Benedetti L., BRAGLIA L., Robustelli della Cuna F.S., Tava A. Chemical composition of the volatile oil from flowers and leaves of new *Passiflora* hybrids. *International Journal of Applied Research in Natural Products*. Vol 9, No 4. 2016
- 17- Gavazzi F & BRAGLIA L., Mastromauro F., Giani S., Morello L., Breviario D. The Tubulin-Based-Polymorphism method provides a simple and effective alternative to the genomic profiling of grape. *PLoS One*. 11(9) DOI: 10.1371/journal.pone.0163335, 2016.
- 18- BRAGLIA L., Giani S., Breviario D., Gavazzi F., Mastromauro F. and Morello L. Development and validation of the modular Feed-code method for qualitative and quantitative determination of feed botanical composition. 408 (29) *Anal Bioanal Chem* 408 (29), 8299-8316. 2016
- 19- Calevo J., BRAGLIA L., De Benedetti L., Marchioni I., Cornara L., Peccenini S. & Giovannini A. Different methodologies for the identification of *Serapias* orchids in the Regional Park of Portofino (Liguria). *GIROS Orch. Spont. Eur.* 60 (2017:1): 156-169 (ISSN 2281-6437). 2017.
- 20- Gavazzi F., Pigna G., BRAGLIA L., Giani S., Breviario D. and Morello L. Evolutionary characterization and transcript profiling of β -tubulin genes in flax (*Linum usitatissimum* L.) during plant development. *BMC Plant Biol.* 17(1):237. doi: 10.1186/s12870-017-1186-0. 2017.
- 21- BRAGLIA L., Manca A., Giani S., Hatzopoulos P. and Breviario D. A possible alternative for olive (*Olea europaea* L.) traceability and genotyping. *American Journal of Plant Sciences* 08(13):3475-3489. 2017
- 22- BRAGLIA, L., Morello, L., Gavazzi, F., (...), Valadas, V., Campos, M.D. Interlaboratory comparison of methods determining the botanical composition of animal feed. *Journal of AOAC International*. 101(1), pp. 227-234, 2018.

- 23- Campos M.D., Valadas, V., Campos, C., Morello L., BRAGLIA L., Breviario, D., Cardoso, H.G. A TaqMan real-time PCR method based on alternative oxidase genes for detection of plant species in animal feed samples. *PLoS ONE* 13(1),e0190668. 2018
- 24-Thomson L.A.J., BRAGLIA L. Review of Fiji Hibiscus (Malvaceae-Malvoideae) Species in Section *Lilibiscus*. *Pacific Science* 73(1), pp. 79-121. 2019.
- 25- Silletti S., Morello L., Gavazzi F., (...), BRAGLIA L., Breviario D. Untargeted DNA-based methods for the authentication of wheat species and related cereals in food products. *Food Chemistry* 271, pp. 410-418. 2019.
- 26- Morello L., BRAGLIA L., Gavazzi F., Gianì S., Breviario D. Tubulin-Based DNA Barcode: Principle and Applications to Complex Food Matrices. *Genes* 10(3):229, 2019.

Brevetti

- 1- Diego Breviario, Anna Paola Casazza, Floriana Gavazzi, Elena Ponzoni, LUCA BRAGLIA, Silvia Gianì. Process for the identification and traceability of plant components” PCT/IM2011/00146 del 31.01.2011 (Priorità IT-MI2010A000163 del 03.02.2010) di proprietà del CNR.
- 2- Diego Breviario, Silvia Gianì, Laura Morello, Francesco Mastromauro, Floriana Gavazzi, LUCA BRAGLIA, Elena Ponzoni. Process and Kit for food analysis. Italian patent application n. TO2013A000501 of 18/06/2013. International patent application n. PCT/IB2014/062265 June 16 (2014) CNR Ref.10262. 100% CNR ownership. Documento di deposito N. 0045956 del 26/07/2013.

Atti di convegno

- 1- Bruna S., Mercuri A., Cervelli C., BRAGLIA L., De Benedetti L., Schiva T. Genetic characterization of *Myrtus communis* L. Wild genotypes using AFLP Markers. *Acta Horticulturae* 683: 431-436, 2005 (ISSN 0567-7572).
- 2- De Benedetti L., BRAGLIA L., Bruna S., Burchi G., Mercuri A., Schiva T. PCR-based markers and Cut Flower Longevity in Carnation. *Acta Horticulturae* 683: 437-444, 2005 (ISSN 0567-7572).
- 3- Bruna S., BRAGLIA L., Casabianca V., Mercuri A., De Benedetti L. and Schiva T. Hibiscus *rosa-sinensis* L.: AFLP markers for genetic improvement. *Acta Horticulturae*, (ISHS) 788: 97-102, 2008 (ISSN 0567-7572).
- 4- Casabianca V., BRAGLIA L., De Benedetti L., Mercuri A., Cervelli C. and Ruffoni B. Analisi della variabilità del genere *Salvia* attraverso marcatori AFLP. Atti VIII Convegno Nazionale sulla Biodiversità: la Biodiversità - una risorsa per sistemi multifunzionali. 125-127, 2008 (ISBN 978-88-904490-4-8).
- 5- BRAGLIA L., De Benedetti L., Giovannini A., Nicoletti F., Bianchini C., Pipino L and Mercuri A. In vitro plant regeneration as a tool to improve ornamental characters in *passiflora* species. *Acta Horticulturae*, (ISHS) 855: 47-52, 2010 (ISSN 0567-7572).
- 6- Mercuri A., BRAGLIA L., De Benedetti L., Ballardini M., Nicoletti F., Bianchini C. New genotypes of *Hibiscus × rosa-sinensis* through classical breeding and genetic transformation. *Acta Horticulturae*, (ISHS) 855: 201-207, 2010 (ISSN 0567-7572).
- 7- De Benedetti L., Nicoletti F., Ballardini M., BRAGLIA L., Mercuri A., Cervelli C. Analisi della variabilità genetica in popolazioni siciliane di *Mirtus communis* tramite marcatori AFLP. Raccolta degli atti del IV Convegno Nazionale Piante Mediterranee, le potenzialità del territorio e dell'ambiente. LuLu Editore, 239-245, 2010. (ISBN: 978-1-4466-8981-3).
- 8- Nicoletti F., BRAGLIA L., De Benedetti L., Dente F., Ballardini M., Mercuri A and Giovannini A. Caratterizzazione molecolare di *passiflora* ornamentali. *Acta Italus Hortus* 6: 241-244, 2012 (ISBN: 978-88-905628-3-9).
- 9- Giovannini A., Dente F., De Benedetti L., Nicoletti F., BRAGLIA L., Gavazzi F. and Mercuri A. Interspecific hybridization in ornamental passion flowers. *Acta Horticulturae* 953: 111-118, 2012 (ISSN 0567-7572).
- 10- BRAGLIA L., Casazza A.P., Gavazzi F. and Breviario D. Mangimi: composizione e sicurezza. La Scienza è in Tavola: risorse biologiche e tecnologiche innovative per lo sviluppo sostenibile del sistema agro-alimentare. Comunicazione orale. Milano, 15 gennaio 2013 (ISBN 9788880801498).
- 11- Galasso I., Manca A., BRAGLIA L. and Breviario D. Le risorse genetiche e la corretta catalogazione delle sementi. La Scienza è in Tavola: risorse biologiche e tecnologiche innovative per lo sviluppo sostenibile del sistema agro-alimentare. Milano, 15 gennaio 2013 (ISBN 9788880801498).
- 12- De Benedetti L., BRAGLIA L., Mercuri A., Sacco E., Casella P., Ariano S., Giovannini A. Caratterizzazione e valorizzazione di germoplasma in *Passiflora*. Atti X convegno nazionale sulla biodiversità. pp 186-192, 2014 (ISBN 978-88-97081-76-0).

- 13- BRAGLIA L., Morello L., Gavazzi F., Breviario D. Impiego di marcatori molecolari per la caratterizzazione di diverse varietà di lino. Progetto VELICA, da antiche colture a materiali e prodotti per il futuro. P. 45-58, 2014 (ISBN 978-88-907569-1-7).
- 14- BRAGLIA L., Breviario D., Morello L., Gavazzi F., Gianì S., Pizzamiglio V., Grosso V. FEED-CODE: un codice genetico di verifica e tutela dei mangimi nella filiera latte. Comunicazione orale. Il Mondo del Latte - Speciale ricerca, aprile 2016, (ISSN:0368-9123).
- 15- BRAGLIA L., Gavazzi F., Gianì S., Mastromauro F., Morello L., Breviario D. Identification and measurement of botanical species in animal feed 2nd IMEKOFOODS "Metrology Promoting Objective and Measurable Food Quality and Safety" October 2nd - 5th, 2016 – Benevento. (ISBN 978-92-990075-3-2)

Abstract di Poster e Presentazioni Orali a congressi

- 1- Bruna S., Mercuri A., Cervelli C., BRAGLIA L., De Benedetti L and Schiva T. Genetic characterization of *Myrtus communis* L. (Myrtaceae) wild genotypes using AFLP markers. V International Symposium on new floricultural crops. Campinas, Brazil. 26-30 Aug. 2003
- 2- De Benedetti L., BRAGLIA L., Bruna S., Burchi G., Mercuri A., Schiva T. Molecular markers to improve cut flower longevity in carnation. V International Symposium on new floricultural crops. Campinas, Brazil. 26-30 Aug. 2003.
- 3- Bruna S., Mercuri A., Cervelli C., BRAGLIA L., De Benedetti L., Schiva T. Caratterizzazione Genetica di Popolazioni di *Myrtus communis* L. Mediante Marcatori AFLP. Convegno nazionale "Piante della macchia mediterranea: dagli usi tradizionali alle nuove opportunità agro-industriali, Sassari 2-3 ottobre 2003.
- 4- De Benedetti L., BRAGLIA L., Bruna S., Mercuri A., Bianchini C. and Schiva T. DNA fingerprinting of carnation varieties through AFLP markers. XXII International EUCARPIA Symposium, Section Ornamentals. Sanremo, Italy 11-15 Sept. 2006.
- 5- Bruna S., Mercuri A., BRAGLIA L., Casabianca V., Bianchini C., De Benedetti L, Schiva T. Valorizzazione di *Hibiscus rosa-sinensis* L. mediante metodi tradizionali e molecolari. VIII Giornate Scientifiche SOI. Sassari, Italy. 8-11 maggio 2007.
- 6- BRAGLIA L., De Benedetti L., Bruna S., Burchi G. and Mercuri A. Marker assisted selection in carnation: use AFLP analysis to improve vase life traits. 9th International Symposium on Postharvest quality of Ornamental plants, Odense, Denmark 11-14 Aug. 2008.
- 7- BRAGLIA L., Bruna S., Bianchini C. and Mercuri A. In vitro propagation of *Hibiscus rosa-sinensis* L. 18th EUCARPIA General Congress, Valencia, Spain 9-12 Sept. 2008.
- 8- BRAGLIA L., Ponzoni E, Breviario D. Bean genomic polymorphism uncovered by a systematic approach based on β -tubuline gene sequence organization. International Conference on "FoodOmics- Cesena (FC) 28-29 May 2009.
- 9- BRAGLIA L., Ponzoni E, Morello L, Breviario D. Genomic polymorphism uncovered by a systematic approach based on β -tubuline gene sequence organization. 53° Congresso annuale della Società Italiana di Genetica Agraria. Torino, 16-19 Sept. 2009.
- 10- BRAGLIA L., Mercuri A, De Benedetti L, Ballardini M, Nicoletti F, Bianchini C. New genotypes of *Hibiscus x rosa-sinensis* through classical breeding and genetic transformation. XXIII EUCARPIA Symposium. Section Ornamentals. Leiden, The Netherlands, 31 Aug.- 4 Sept. 2009.
- 11- BRAGLIA L., De Benedetti L, Pipino L., Giovannini A., Fascella G., Mercuri A. In vitro plant regeneration as a tool to improve ornamental character in *Passiflora* species. XXIII EUCARPIA Symposium. Section Ornamentals. Leiden, The Netherlands, 31 Aug.- 4 Sept. 2009.
- 12- De Benedetti L, Nicoletti F, Ballardini M, BRAGLIA L, Mercuri A, Cervelli C. Analisi della variabilità genetica in popolazioni siciliane di *Mirtus communis* tramite marcatori AFLP. IV Convegno Nazionale Piante Mediterranee. Marina di Nova Siri (MT), 7-10 Ottobre 2009.
- 13- BRAGLIA L., Nicoletti F., De Benedetti L., Ballardini M., Pecchioni N., Mercuri A. Isolation of a sequence homolog to *Arabidopsis thaliana* MAX2 gene in *Hibiscus rosa-sinensis*. 28th International Horticultural Congress. Lisboa, Spain 22-27 Aug. 2010.
- 14- BRAGLIA L., Mastromauro F., Breviario D. TBP: un semplice metodo per la rapida tipizzazione genetica del patrimonio vegetale lombardo. BIOD 2010. Coltivare la Biodiversità. Milano, 10-11 Giugno 2010.
- 15- BRAGLIA L., Gavazzi F., Morello and Breviario D. SSR and TBP molecular marker are tool for the identification of the productive attitude of flax cultivar. Plant genetics and breeding technologies. Vienna, Austria Feb. 18 - 20, 2013 P. 56.
- 16- De Benedetti L., Dente F., BRAGLIA L., Mercuri A. and Giovannini A. Valutazione dell'attitudine combinatoria nell'ibridazione interspecifica di passiflore ornamentali. Acta Italus Hortus 12: 153, 2013 (ISBN: 978-88-905628-3-9).
- 17- BRAGLIA L., Gavazzi F., Gianì S., Mastromauro F., Morello and Breviario D., Imperi E., Grosso V. New genetic approaches for automated feed authentication. 1st IMEKOFOODS "Metrology Promoting Objective and Measurable Food Quality and Safety. Rome, Italy, 12 - 15

Oct. 2014. P 125.

18- Calevo J., Giovannini A., De Benedetti L., BRAGLIA L., Cornara L., Peccenini S. Morphological characterization, molecular analysis and chromosome counting for the identification of Serapias hybrids (orchideaceae). Il international Plant Science conference (IPSC), 110° congresso della Società Botanica Italiana Onlus. Pavia 14-17 Settembre 2015. pg 22. (ISBN 978-88-85915-16-9).

19- Silletti S., Morello L., Gavazzi F., BRAGLIA L., Gualdi V., Strozzi F., Breviario D. A TBP cased approach for simple genetic profiling and fast identification in wheat genotypes. International conference "from seed to pasta & beyond". Bologna 31th May- 2nd June 2015.

20- Manca A., BRAGLIA I., Gavazzi F., Gianí S., Morello L., Breviario D. Molecular tools for fingerprinting of wild grass species. Proceedings of the Joint Congress SIBV-SIGA Milano, Italy, 8/11 September 2015 (ISBN 978-88-904570-5-0).

21- BRAGLIA I., Morello L., Gianí S., Gavazzi F., Mastromauro F., Breviario D. FEED-CODE: a DNA-based analytical procedure for the guarantee of animal feeds. Book of Abstract- Oral Presentation, the Food Factor I Barcelona Conference, 2-4 Novembre 2016.

22- Morello L., BRAGLIA L., Lauria M., Grasso A. and Breviario D. A simple molecular method for duckweed fingerprinting. 5th International ICDRA Conference, DUCKWEED RESEARCH and APPLICATIONS- September 9-12, 2019, Rehovot, Israel.

**TRATTAMENTO DEI DATI
PERSONALI, INFORMATIVA E
CONSENSO**

Il D.Lgs. 30/6/2003, n. 196 "*Codice in materia di protezione dei dati personali*" regola il trattamento dei dati personali, con particolare riferimento alla riservatezza, all'identità personale e al diritto di protezione dei dati personali; l'interessato deve essere previamente informato del trattamento.

La norma in considerazione intende come "trattamento" qualunque operazione o complesso di operazioni concernenti la raccolta, la registrazione, l'organizzazione, la conservazione, la consultazione, l'elaborazione, la modifica, la selezione, l'estrazione, il raffronto, l'utilizzo, l'interconnessione, il blocco, la comunicazione, la diffusione, la cancellazione e la distruzione di dati, anche se non registrati in una banca dati.

Sì, acconsento



LODI 11/10/2019